

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

Nome e Cognome	STEFANIA NAPPO
Indirizzo	[REDACTED]
Telefono	[REDACTED]
e-mail	stefania.nappo@biologo.onb.it , s.nappo@santobonopausilipon.it
Nazionalità	Italiana
Luogo e data di nascita	[REDACTED]
C.F.	[REDACTED]
Sesso	F

ESPERIENZE PROFESSIONALI

1 luglio 2021 – ad oggi	Dirigente biologo presso l'UOSD BaSCO (Banca del Sangue Cordonale Ombelicale), Manipolazione Cellulare e Immunogenetica
-------------------------	--

Principali mansioni	Manipolazione, criopreservazione e rilascio per uso clinico delle cellule staminali emopoietiche a scopo terapeutico; analisi dei test clonogenici Gestione dei protocolli di manipolazione e di criopreservazione di cellule staminali emopoietiche; gestione dei locali destinati alla criobiologia Revisione dei risultati di tipizzazione HLA per i programmi di trapianto di cellule staminali emopoietiche e per associazioni con malattie Studio del chimerismo post-trapianto di cellule staminali emopoietiche sia su sangue periferico/midollare che su linee cellulari
---------------------	---

Nome e indirizzo del datore di lavoro	Azienda Ospedaliera di Rilievo Nazionale "Santobono-Pausilipon" – P.O. Pausilipon
---------------------------------------	--

17 settembre 2020 – 30 giugno 2021	Biologa presso l'UOSD BaSCO (Banca del Sangue Cordonale Ombelicale), Manipolazione Cellulare e Immunogenetica – Laboratorio di Manipolazione Cellulare
---------------------------------------	---

Nome e indirizzo del datore di lavoro	Azienda Ospedaliera di Rilievo Nazionale "Santobono-Pausilipon" – P.O. Pausilipon
---------------------------------------	--

1 Novembre 2017 – 16 settembre 2020	Vincitrice di selezione pubblica di personale a tempo determinato per il profilo di biologo per le attività del progetto “Screening Neonatali obbligatori per la legge n°104/1992, diagnosi e trattamento di Fenilchetonuria (PKU), Ipotiroidismo Congenito (IC) e Fibrosi Cistica (FC)”, finanziato dalla Regione Campania
Principali mansioni	Spettrometria di massa tandem (LC- MS/MS) per la determinazione degli Aminoacidi e Acilcarnitine e dosaggio di TSH/T4 e Tripsina Immuno-Reattiva (IRT) con metodo fluoroimmunometrico (Autodelfia, Perkin- Elmer) su spot di sangue Valutazione dei risultati, refertazione ed arruolamento degli eventuali sospetti positivi alle suddette patologie di screening Elaborazione statistica dei risultati per l'aggiornamento e l'adozione di nuovi <i>cut-off</i> da applicare alle patologie oggetto di screening.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Azienda Ospedaliera di Rilievo Nazionale “Santobono-Pausilipon” - Centro Screening delle Malattie Metaboliche - P.O. S.S. Annunziata
Ottobre 2012 – Ottobre 2017	Specializzanda in Genetica Medica presso l'Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”
Principali Mansioni svolte	Analisi della regione 3'UTR del gene DMPK (<i>Myotonic Dystrophy Protein Kinase</i>) in pazienti con Distrofia Miotonica di tipo 1 con presenza di interruzioni nel caratteristico profilo della TP-PCR (<i>Triplet primed PCR</i>), sotto la supervisione della Dott.ssa Annalisa Botta. ASO-Long Range PCR (<i>Allele Specific Oligonucleotide-Long Range PCR</i>) per la specifica amplificazione del gene SMN1 (<i>Survival Motor Neuron 1</i>) per l'identificazione di portatori sani di mutazioni puntiformi patogenetiche della SMA, sotto la supervisione della Dott.ssa Maria Rosaria D'Apice. Stima delle frequenze delle mutazioni del gene <i>CFTR</i> (<i>Cystic Fibrosis Transmembrane Conductance Regulator</i>) in individui di etnia diversa da quella italiana che si sottopongono all'analisi di I livello della Fibrosi Cistica, sotto la supervisione della Dott.ssa Annalisa Botta. Analisi dei polimorfismi poly-T e poly-TG del gene <i>CFTR</i> (<i>Cystic Fibrosis Transmembrane Conductance Regulator</i>) mediante ASO-PCR in coppie infertili che si sottopongono all'analisi di I livello della Fibrosi Cistica, sotto la supervisione della Dott.ssa Annalisa Botta. Analisi funzionale di una nuova variante di <i>splicing</i> identificata nel gene <i>CLCN1</i> (<i>Chloride Channel 1</i>) in una paziente con sospetta Miotonia Congenita autosomica recessiva, sotto la supervisione della Dott.ssa Annalisa Botta.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”, Dipartimento di Biomedicina e Prevenzione - Sezione di Genetica Medica, Via Montpellier 1, diretto dal Prof. Giuseppe Novelli

1 Febbraio – 31 Marzo 2017	Vincitrice di incarico di tutoraggio didattico nell'ambito dell'insegnamento "Test genetici per la valutazione della variabilità interindividuale" del Master di II livello in "Nutrizione Personalizzata: basi molecolari e genetiche"
Principali Mansioni	Tipizzazione del polimorfismo -13910 T/C, mediante <i>Real-Time PCR</i>, del gene della lattasi (<i>LCT</i>) associato all'intolleranza al lattosio. Tipizzazione del sistema HLA di tipo DQ2 e DQ8, mediante <i>multiplex PCR</i> (<i>Eu-Gen Risk kit</i>), per la determinazione della suscettibilità alla malattia celiaca.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di Roma "Tor Vergata", Dipartimento di Medicina Sperimentale e Chirurgia, Via Montpellier 1.
Dicembre 2012 – Settembre 2015	Borsista presso l'Istituto di Genetica e Biofisica del CNR di Napoli, nel laboratorio della dott.ssa Marina Ciullo. RICERCA DI FATTORI GENETICI DI RISCHIO PER OBESITA' E MALATTIE METABOLICHE
Interessi di ricerca	Identificazione di regioni genomiche implicate nella regolazione dei livelli serici di proteine, mediante analisi di <i>linkage</i> ed associazione <i>genome-wide</i> , nelle popolazioni isolate del Cilento. Analisi funzionale di varianti genetiche associate a tratti quantitativi.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Istituto di Genetica e Biofisica "ABT"-CNR- Napoli, via Pietro Castellino 111, presso il laboratorio della dott.ssa M. Ciullo

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

11 febbraio 2025	Partecipazione al corso FAD "Oncogenomica per i professionisti sanitari" - Istituto Superiore di Sanità
24 gennaio 2025	Partecipazione al corso FAD "Prevenzione e controllo delle Infezioni Correlate all'Assistenza" - Istituto Superiore di Sanità
06 marzo 2024	Partecipazione al corso FAD "La normativa applicabile ai programmi trapianto di cellule staminali emopoietiche" - Istituto Superiore di Sanità
8 novembre 2023	Corso "BLSD - Operatori Sanitari Interni" svoltosi presso l'A.O.R.N. "Santobono – Pausilipon"
11 maggio 2022	Partecipazione al corso "La sperimentazione clinica: corso teorico-pratico sugli aspetti metodologici, normativi e organizzativi di uno studio sperimentale" - A.O.R.N. "Santobono – Pausilipon"
Gennaio – maggio 2022	SIGU - ITALIAN MEDICAL GENETICS ACADEMY 2022 – Corso di educazione continua in Genetica Medica

29 ottobre 2021	Partecipazione al corso FAD “cALL-IN Childhood Acute Lymphocytic Leukemia Improving Network” – Adin Congress
Settembre 2021	I edizione del Corso nazionale sulla donazione e trapianto di cellule staminali emopoietiche dal sangue del cordone ombelicale - Centro Nazionale Trapianti e il Centro Nazionale Sangue in collaborazione con ADISCO
13 ottobre 2021	Partecipazione al corso ECM “CAR-T webinar 2021: rolling updates. Parte II” – Accademia Nazionale di Medicina
24 febbraio 2021	Partecipazione al corso ECM “Corso per Operatori di Programmi Trapianto di Cellule Staminali Emopoietiche (CSE)” - Istituto Superiore di Sanità
23 gennaio 2021	Partecipazione al corso FAD “Genetica e genomica pratica - Corso avanzato per Medici e Biologi” - Istituto Superiore di Sanità
14 dicembre 2020	Partecipazione al corso ECM “Aferesi Terapeutica e complicanze in Trapiantologia” - SIdEM Formazione Online 2020
23 novembre 2020	Partecipazione al corso ECM “Terapia Genica e Manipolazione Cellulare” - SIdEM Formazione Online 2020
30 Ottobre – 11 novembre 2020	Partecipazione al corso FAD per Operatori di Programmi Trapianto di Cellule Staminali Emopoietiche (CSE) - Istituto Superiore di Sanità
6 – 7 ottobre 2020	Partecipazione al corso ECM “Novità diagnostiche e terapeutiche in ematologia: approfondimento sulle malattie linf e mieloproliferative” - Scuola Medica Ospedaliera di Roma
7 Maggio – 4 Giugno 2019	Partecipazione al corso ECM “Gestione ed Analisi dei dati Clinici per la Ricerca” svoltosi presso l’A.O.R.N. “Santobono – Pausilipon”
30 Novembre 2018	Corso “BLS-D: Linee guida – Protocolli – Procedure” svoltosi presso l’A.O.R.N. “Santobono – Pausilipon”
Titolo di studio	Specializzazione in Genetica Medica
Conseguito presso	Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”
Voto	50/50
Anno di immatricolazione	2010/2011
Data di conseguimento titolo	06/11/2017
Titolo della tesi	L’analisi del gene CFTR nel laboratorio e nel consultorio di Genetica Medica: problematiche vecchie e nuove
Relatore	Dott.ssa Annalisa Botta
Correlatore	Dott.ssa Maria Rosaria D’Apice
20-21 Aprile 2017	Partecipazione al corso ECM della Scuola Medica Ospedaliera di Roma “La genetica dei disturbi dello spettro autistico” svoltosi presso l’Istituto CSS Mendel di Roma

8-9 Marzo 2017	Corso teorico-pratico sull'utilizzo del <i>"Devyser CFTR Combo training"</i> svoltosi presso il laboratorio di Genetica Medica dell'Università degli Studi di Roma "Tor Vergata"
23-24 Giugno 2016	Partecipazione al corso ECM della Scuola Medica Ospedaliera di Roma "Affidabilità analitica, validità ed utilità clinica nei test genetici di vecchia e nuova generazione. Il calcolo del rischio e la gestione del paziente. Indicatori, CQi e VEQ" svoltosi presso l'Istituto CSS Mendel di Roma
9-10 Giugno 2016	Partecipazione al corso ECM della Scuola Medica Ospedaliera di Roma "NGS e le sue applicazioni. Strategie di analisi e gestione del risultato. Isolati genetici, NGS e tratti complessi" svoltosi presso l'Istituto CSS Mendel di Roma
12-13 Maggio 2016	Partecipazione al corso ECM della Scuola Medica Ospedaliera di Roma "Malattie correlate al gene CFTR. Approcci diagnostici nella Fibrosi Cistica" svoltosi presso l'Istituto CSS Mendel di Roma
11 Marzo 2016	Corso teorico-pratico sull'utilizzo del <i>software</i> Fujirebio LIRAS for LiPA CF (<i>Cystic Fibrosis</i>) svoltosi presso il laboratorio di Genetica Medica dell'Università degli Studi di Roma "Tor Vergata"
8 Maggio 2015	Iscrizione all'Ordine Nazionale dei Biologi, n. iscrizione AA_073208
1 Aprile 2015	Corso pratico di manipolazione di dati di sequenza dal titolo: <i>"NGS alignment and variant calling practical tutorial"</i> , presso il CNR di Napoli
14 Novembre 2014	Corso teorico sui metodi di analisi di interazioni proteina-proteina e gene networks dal titolo <i>"Networks and OMICs data"</i> , svoltosi nell'ambito del progetto bandiera INTEROMICS, presso il CNR di Napoli
Febbraio 2014	Superamento dell'Esame di Stato per l'abilitazione all'esercizio della Professione di Biologo
Titolo di studio	Laurea Magistrale in Scienze Biologiche (laurea secondo livello)
Conseguito presso	Università degli Studi di Napoli "Federico II"
Voto	110/110 e lode
Anno di immatricolazione	2009/2010
Data di conseguimento titolo	15/12/2011
Titolo della tesi sperimentale	Genetica dei livelli serici di Cripto nelle popolazioni isolate del Cilento
Svolta presso	Istituto di Genetica e Biofisica "Adriano Buzzati-Traverso" - CNR Napoli
Periodo	Aprile 2010 – Dicembre 2011
Relatore	Prof. Luciano Gaudio
Correlatore	Dott.ssa Marina Ciullo
Titolo di studio	Laurea Triennale in Scienze Biologiche (laurea primo livello)
Conseguito presso	Università degli Studi di Napoli "Federico II"
Voto	107/110
Anno di immatricolazione	2005/2006
Data di conseguimento titolo	16/10/2009

Titolo della tesi sperimentale	Amplificazione via PCR e sequenziamento del gene OrcPI2 in <i>Orchis Italica</i>
Svolta presso	Dipartimento di Genetica, Biologia Generale e Molecolare - Università degli Studi di Napoli "Federico II"
Periodo	Aprile 2009 – Ottobre 2009
Relatore	Prof.ssa Serena Aceto

**PARTECIPAZIONE E
COMUNICAZIONI A CONVEGNI,
MEETINGS E CONGRESSI**

30 Marzo-2 Aprile 2025	51st Annual Meeting EBMT – Firenze – Italia POSTER: Stefania Nappo, Mario Toriello, Giovanna Maisto, Francesco Topo, Lucia Gallo, Giovanni Castellano, Roberta Penta de Vera d'Aragona, Emanuela Rossitti, Alessandra Picardi, Peppino Mirabelli, William G. Wierda, Francesco Paolo Tambaro Validation and clinical application of Gelofusine as alternative to Dextran40-based solutions for washin cryopreserved hematopoietic stem cells
27 Novembre 2024	XI CONGRESSO NAZIONALE GIIMA – Bologna - Italia
10-12 Ottobre 2024	XXX CONGRESSO NAZIONALE AIBT – Napoli - Italia
26-28 Ottobre 2023	XXI CONGRESSO NAZIONALE SIdEM – Pescara - Italia POSTER: Nappo S. , Esposito M., Maisto G., Casalino R., Gallo L., Coppola S., Castellano G., Topo F., Penta de Vera d'Aragona R., Toriello M. – Utilizzo del Gelofusine nel lavaggio delle cellule staminali per trapianto COMUNICAZIONE ORALE E VINCITRICE DEL PREMIO SELENE PALMA
13 Ottobre 2023	Convegno “Le cellule staminali emopoietiche: il presente e il futuro delle donazioni e dei trapianti” - Azienda Universitaria Ospedaliera San Giovanni di Dio e Ruggi d'Aragona - RELATRICE
28 aprile 2022	V Edizione - NEXT GENERATION SEQUENCING Dal laboratorio alla pratica clinica: un percorso ad ostacoli? – convegno in modalità webinar
17 – 19 Novembre 2021	XX Congresso Nazionale SIGU - Virtual POSTER: Nappo S. , Madalese D., Auriemma L., Coppola S., Gallo L., Castellano G., Tambaro F.P., Maisto G., Toriello M., Penta de Vera d'Aragona R. – HLA frequency in the Campanian Umbilical Cord Blood Bank
14 - 19 ottobre 2021	XX CONGRESSO NAZIONALE SIdEM 2021 - Linee guida protocolli-procedure – Rimini – Italia

17 ottobre 2021	IX SIMPOSIO DI TERAPIA CELLULARE - CAR-T: DALLA PRODUZIONE ALLA TERAPIA - Linee guida protocolli-procedure – Rimini – Italia
12 Dicembre 2019	Riunione operativa “Screening neonatale dell'ipotiroidismo congenito e registro nazionale” – Istituto Superiore di Sanità – Roma
22 – 25 Ottobre 2019	X Congresso Nazionale SIMMESN - Torino - Italia POSTER: Nappo S. , Azzaro R., Scognamiglio D., Carbone M.T. – SCREENING NEONATALE DELL'IPOTIROIDISMO CONGENITO NELLA REGIONE CAMPANIA: LA PROBLEMATICHE DEI RICHIAMI
19 Dicembre 2018	Riunione operativa “Screening neonatale dell'ipotiroidismo congenito e registro nazionale” – Istituto Superiore di Sanità - Roma
15 Giugno 2018	Convegno Internazionale “Genetica ed Epigenetica” – ONB – Napoli
2 Marzo 2018	Congresso “La Metabolomica nella Ricerca Clinica e nella Diagnostica” – Auditorium Ceinge – Napoli
15 – 18 Novembre 2017	XX Congresso Nazionale SIGU - Napoli - Italia POSTER: S. Nappo , C. Ronci, L. Mannucci, F. Sangiuolo, G. Novelli, A. Botta, M.R. D'Apice – IN SILICO ANALYSIS OF CFTR PATHOGENIC VARIANTS THROUGH THE USE OF THE GENOME AGGREGATION DATABASE (gnomAD): INSIGHTS INTO CARRIER FREQUENCY AND ETHNIC VARIANT DISTRIBUTION IN NON-CAUCASIAN POPULATIONS POSTER: F. Maiorca, F. Centofanti, S. Nappo , L. Fontana, G. Novelli, A. Botta – IDENTIFICATION OF NON-INVASIVE MOLECULAR BIOMARKERS IN PERIPHERAL BLOOD LEUKOCYTES FROM MYOTONIC DYSTROPHY PATIENTS
27 Aprile 2017	Convegno “Controllo Esterno di Qualità Test Genetici e Test del Sudore – Risultati 2016” – ISS – Roma
23–26 Novembre 2016	XIX Congresso Nazionale SIGU - Torino - Italia POSTER: S. Russo, R. Iraci, S. Nappo , F. Centofanti, L. Fontana, G. Novelli, A. Botta – DEVELOPMENT AND VALIDATION OF A NON-RADIOACTIVE GENETIC ASSAY FOR THE DETECTION OF THE CCTG EXPANSION IN MYOTONIC DYSTROPHY TYPE 2 PATIENTS
11 Aprile 2016	Riunione congiunta Gruppi di lavoro di Genetica Clinica e di Citogenetica della Società Italiana di Genetica Umana e della Società Italiana di Malattie Genetiche Pediatriche – Napoli – Italia
31 Maggio – 3 Giugno 2014	European Human Genetics Conference 2014 - Milano - Italia

POSTER: **S. Nappo**, D. Ruggiero, T. Nutile, R. Sorice, E. Giorgio, C. Bellenguez, A. Leutenegger, G. Liguori, M. Ciullo - **GENOME-WIDE ASSOCIATION STUDY AND FUNCTIONAL CHARACTERIZATION OF A LOCUS ASSOCIATED WITH CRIPTO SERUM LEVELS IN CILENTO ISOLATES**

POSTER: V. Zazzu, T. Nutile, R. Sorice, M. Aversano, D. Ruggiero, **S. Nappo**, M. Ciullo - **SEARCH FOR POTENTIAL CAUSAL VARIANTS IN TRANSCRIPTION FACTOR BINDING SITES USING A DATABASE INTEGRATING SNPs AND HUMAN GENOME INFORMATION**

8-11 Giugno 2013

European Human Genetics Conference 2013 - Parigi - Francia

POSTER: R. Sorice, D. Ruggiero, T. Nutile, **S. Nappo**, M. Aversano, M. Ciullo - **GENETIC DISSECTION OF ASCENDING AORTA DIAMETER: MICROSATELLITES AND SNPS LINKAGE ANALYSES IN AN ISOLATED POPULATION OF CILENTO**

28-31 Maggio 2011

European Human Genetics Conference 2011 - Amsterdam - Olanda

POSTER: D. Ruggiero, **S. Nappo**, R. Sorice, T. Nutile, G.L. Liguori, and M. Ciullo - **A GENETIC VARIANT ASSOCIATED WITH THE CRIPTO PLASMA LEVELS IN THE CILENTO ISOLATED POPULATIONS**

20 Ottobre 2010

Seminario "Understanding the Genome" – aula seminari CEINGE – Napoli

APPARTENENZA A SOCIETÀ SCIENTIFICHE

Socio **AIBT** (Associazione Italiana Biologia dei Trapianti)

Socio **SIGU** (Società Italiana di Genetica Umana) dal 2022

Socio **GITMO** (Gruppo Italiano per il Trapianto di Midollo Osseo, cellule staminali emopoietiche e terapia cellulare) dal 2024

Socio **GIIMA** (Gruppo italiano interdisciplinare manipolazione e aferesi per terapie cellulari) dal 2024

ATTIVITÀ DI DIVULGAZIONE SCIENTIFICA

Settembre 2024-Aprile
2025

Incarico di docente nell'ambito del progetto di educazione alla salute "LA VITA E'... IL DONO PIU' BELLO CHE CI SIA" promosso dal Centro Regionale Trapianti – Regione Campania

Gennaio-Maggio 2024

Incarico di docente nell'ambito del progetto di educazione alla salute "LA VITA E'... IL DONO PIU' BELLO CHE CI SIA" promosso dal Centro Regionale Trapianti – Regione Campania

Gennaio-Maggio 2022	Incarico di docente nell'ambito del progetto di educazione alla salute "LA VITA E'... IL DONO PIU' BELLO CHE CI SIA" promosso dal Centro Regionale Trapianti – Regione Campania
25-28 Maggio 2017	31° edizione di Futuro Remoto sul tema "Scienze della vita e tecnologie: connessioni dalla ricerca al benessere", Napoli
27 Settembre 2013	"Geni e Ambiente: il puzzle della vita". Roma Light '13, nell'ambito del progetto "PON RICERCA E COMPETITIVITÀ 2007-2013"

CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI

PRIMA LINGUA	ITALIANO
ALTRE LINGUE	INGLESE (Livello B2, certificazione ESOL)
Capacità di lettura	Ottima
Capacità di scrittura	Ottima
Capacità di espressione orale	Buona

METODOLOGIE E TECNICHE DI BIOLOGIA MOLECOLARE E CELLULARE

Gestione di biobanche di DNA, siero, plasma, sangue e cellule

Sequenziamento genetico mediante metodo *Sanger*

Sequenziamento genetico massivo parallelo di nuova generazione (NGS) su piattaforma *Ion Torrent* PGM

Long-Range PCR

Allele Specific Oligonucleotide PCR (ASO-PCR)

Nested PCR

Triplet Repeat Primed PCR (TP-PCR)

Mutagenesi sito-specifica mediante PCR

Multiplex ligation-dependent probe amplification (MLPA)

Reverse dot blot (RDB) *strip assay*

Estrazione ed isolamento di DNA da cellule

Estrazione ed isolamento di RNA da cellule

Estrazione ed isolamento di proteine da cellule

Dosaggio Proteico tramite metodo Bradford

Preparazione di genoteche di cDNA

Purificazione di frammenti di DNA da gel di agarosio

Preparazione di cellule competenti

Tecniche di clonaggio in colture batteriche

Costruzione di *minigene*

Colture cellulari

	Transfezione genica di linee cellulari mediante elettroporazione e mediante lipoproteine cationiche Saggi di misurazione dell'attività luciferasica <i>Elettroforetic Mobility Shift Assay (EMSA)</i>
METODOLOGIE E TECNICHE DI ANALISI BIOCHIMO-CLINICHE	Spettrometria di massa in tandem Cromatografia liquida accoppiata alla spettrometria di massa (LC-MS/MS) Misurazione dei livelli serici di proteine mediante saggi ELISA Analisi di chimica-clinica Esame emocromocitometrico Striscio e colorazione di sangue periferico
CONOSCENZE BIOINFORMATICHE E STATISTICHE	Statistica: R package e SPSS Studi di associazione: GenABEL, ProbABEL Studi di Linkage: Merlin, Allegro Linkage Disequilibrium: Haploview e SNAPLD Calcolo dell'Heritability: SOLAR Interpretazione ed analisi dei dati di associazione: Ingenuity Pathway Analysis (IPA), Annovar, Haploreg, FunSeq, Variant effect Predict (VEP), Genome UCSC, Ensemble, NCBI, Transfac, TFSearch, Matinspector, JASPAR, Human Splicing Finder (HSF3), gnomAD, ExAC Interpretazione ed analisi dei dati di sequenza: vcf-tools
CONOSCENZE INFORMATICHE	Ottima conoscenza del sistema operativo Windows Ottima conoscenza del pacchetto Office (Word, PowerPoint, Access, Excel) Ottima conoscenza di Internet Explorer e Posta Elettronica Buona conoscenza del sistema operativo Linux

PUBBLICAZIONI

Gelofusine as alternative to Dextran40-based solution for washing cryopreserved hematopoietic stem cell products prior to infusion: Validation and application to clinical practice

Stefania Nappo, Mario Toriello, Giovanna Maisto, Peppino Mirabelli, Francesco Topo, Lucia Gallo, Giovanni Castellano, Martina Esposito, Laura Auriemma, Donato Madalese, Fabiana Cacace, Alessandra Picardi, Francesco Paolo Tambaro, Roberta Penta de Vera d'Aragona

Transfusion. 2025 May 14. doi: 10.1111/trf.18272.

Gelofusine As Alternative to Dextran40 for Washing Cryopreserved Hematopoietic Stem Cell Products Prior to Infusion: Validation and Application to Clinical Practice

Stefania Nappo, Mario Toriello, Giovanna Maisto, Francesco Topo, Lucia Gallo, Giovanni Castellano, Roberta Penta de Vera d'aragona, Emanuela Rossitti, Alessandra Picardi, William G. Wierda, Francesco Paolo Tambaro

Blood (2024) Volume 44, Supplement , Page 2095 doi.org/0.82/blood-2024-209742

Persistence of first donor natural killer cells after a second transplant for infant acute lymphoblastic leukemia

D. Madalese, L. Auriemma, M. Toriello, **S. Nappo**, G. Maisto, R. Penta de Vera d'Aragona, W.G. Wierda, K.M. Mahadeo, F.P. Tambaro

Bone Marrow Transplant. 2022 Nov 2;57(Suppl):00–46. doi: 0.038/s4409-022-0798-0

Haploidentical Hematopoietic Stem Cell Transplant Plus Add-Back NK Cells in Pediatric High-Risk ALL

Daniela D'Angelo, Fabiana Cacace, Valeria Caprioli, Maria Rosaria D'Amico, Giuseppina De Simone, Roberta Penta, Mario Toriello, Giovanna Maisto, **Stefania Nappo**, Francesco Paolo Tambaro

Blood (2022) 40 (Supplement): 2963–2964. doi.org/0.82/blood-2022-68869

Genome-Wide Association of PIGF plasma levels supports the link between angiogenesis and immunity

Daniela Ruggiero, Teresa Natile, **Stefania Nappo**, Alfonsina Tirozzi, Celine Bellenguez, Anne-Louise Leutenegger, Marina Ciullo

Scientific Reports, 202 Aug 9;():682. doi: 0.038/s4598-02-96256-0.

Carrier frequency of CFTR variants in the non-Caucasian populations by genome aggregation database (gnomAD)-based analysis

Stefania Nappo, Liliana Mannucci, Giuseppe Novelli, Federica Sangiuolo, Maria Rosaria D'Apice and Annalisa Botta

Ann Hum Genet. 2020 Nov;84(6):463-468. doi: 0./ahg.2396. Epub 2020 Jun 2.

Whole-Exome Sequencing in the Isolated Populations of Cilento from South Italy

T. Natile*, D. Ruggiero*, A.F. Herzig, A. Tirozzi, **S. Nappo**, R. Sorice, F. Marangio, C. Bellenguez, AL Leutenegger, and M. Ciullo

Sci Rep. 209 Mar ;9():4059. doi: 0.038/s4598-09-4022-6.

Large-scale genome-wide analysis identifies genetic variants associated with cardiac structure and function

P.S. Wild*, J.F. Felix*, A. Schillert*, A. Teumer*, M-H. Chen, M. JG Leening., U. Völker., V. Großmann, J.A Brody, M.R. Irvin, S.J. Shah, S. Pramana, W. Lieb, R. Schmidt, A.V. Stanton, D. Malzahn, A.V. Smith, J. Sundström, C. Minelli, D. Ruggiero, L-P. Lytikäinen, D. Tiller, JG Smith, C. Monnereau, MR Di Tullio, S.K. Musani, A.C. Morrison, T.H. Pers, M. Morley, M.E. Kleber, Aorta Gen Consortium, J. Ara-gam, E.J. Benjamin, J.C. Bis, E. Bisping, U. Broeckel, CHARGE-Heart Failure Consortium, S. Cheng, J.W. Deckers, F. Del Greco M, F. Edelmann, M. Fornage, L. Franke, N. Friedrich, T.B. Harris, E. Hofer, A. Hofman, J. Huang, A.D. Hughes, M. Kähönen., KNLH investigators, J. Kruppa., K. Lackner, L. Lannfelt, R. Laskowski, L.J. Launer, M. Leosdottir, H. Lin, C.M. Lindgren, C. Loley, C.A. MacRae, D. Mascalcioni, J. Mayet, D. Medenwald, A.P. Morris, C. Müller, M. Müller-Nurasyid, **S. Nappo**, P.M. Nilsson., S. Nuding, T. Natile, A. Peters, Diana Pietzner, Peter P Pramstaller, Olli T Raitakari, Kenneth M Rice, Fernando Rivadeneira, Jerome I Rotter, Saku T Ruohonen, Ralph L Sacco, Tandaw E Samdarshi, Helena Schmidt, Andrew S P Sharp, Denis C Shields, Rossella Sorice, Nona Sotoodehnia, Bruno H Stricker, Praveen Surendran, Simon Thom, Anna M Töglhofer, André G Uitterlinden, Rolf Wachter, Henry Völzke, Andreas Ziegler, Thomas Münzel, Winfried März, Thomas P Cappola, Joel N Hirschhorn, Gary F Mitchell, Nicholas L Smith, Ervin R Fox, Nicole D Dueker, Vincent W V Jaddoe, Olle Melander, Martin Russ, Terho Lehtimäki, Marina Ciullo, Andrew A Hicks, Lars Lind, Vilmundur Gudnason, Burkert Pieske, Anthony J Barron, Robert Zweiker, Heribert Schunkert, Erik Ingelsson, Kiang Liu, Donna K Arnett, Bruce M Psaty, Stefan Blankenberg, Martin G Larson, Stephan B Felix, Oscar H Franco, Tanja Zeller, Ramachandran S Vasani, Marcus Dörr

J Clin Invest. 207 May ;27(5):798-82. doi: 0.72/JCI84840. Epub 207 Apr 0.

52 Genetic Loci Influencing Myocardial Mass.

P. Harst, J. van Setten, N. Verweij, G. Vogler, L. Franke, M.T. Maurano, X. Wang, I.M. Leach, M. Eijgelsheim, N. Sotoodehnia, C. Hayward, R. Sorice, O. Meirelles, L.P. Lyytikäinen, O. Polašek, T. Tanaka, D.E. Arking, S. Ulivi, S. Trompet, M. Müller-Nurasyid, A.V. Smith, M. Dörr, K.F. Kerr, J.W. Magnani, F. Del Greco M., W. Zhang, I.M. Nolte, C.T. Silva, S. Padmanabhan, V. Tragante, T. Esko, G.R. Abecasis, K. Andersen, P. Barnett, J.C. Bis, R. Bodmer, B.M. Buckley, H. Campbell, M.V. Cannon, A. Chakravarti, L.Y. Chen, A. Delitala, R.B. Devereux, P.A. Doevendans, A.F. Dominiczak, L. Ferrucci, I. Ford, C. Gieger, T.B. Harris, E. Haugen, D.G. Hernandez, H.L. Hillege, J.N. Hirschhorn, A. Hofman, Shih-J. Hwang, A. Iorio, M. Kähönen, M. Kellis, I. Kolcic, I.K. Kooner, J.S. Kooner, J.A. Kors, E.G. Lakatta, K. Lage, L.J. Launer, D. Levy, A. Lundby, P.W. Macfarlane, D. May, T. Meitinger, A. Metspalu, **S. Nappo**, S. Naitza, S. Neph, Alex S Nord, Teresa Nobile, P. Okin, J.V. Olsen, Ben A Oostra, J.M. Penninger, Len A Pennacchio, T.H. Pers, S. Perz, A. Peters, Y.M. Pinto, A. Pfeufer, M.G. Pilia, P. Pramstaller, Bram P Prins, Olli T Raitakari, S. Raychaudhuri, Ken M Rice, E J Rossin, J.I. Rotter, S. Schafer, D. Schlessinger, C. O Schmidt, J. Sehmi, Herman H W Silljé, G. Sinagra, Moritz F Sinner, K. Slowikowski, E. Z Soliman, T. D Spector, W. Spiering, J A Stamatoyannopoulos, R. P Stolk, K. Strauch, S-T Tan, K.V Tarasov, B. Trinh, A.G Uitterlinden, Malou van den Boogaard, C. M van Duijn, Wiek H van Gilst, Jorma S Viikari, Peter M Visscher, V. Vitart, Uwe Völker, M. Waldenberger, C. X Weichenberger, Harm-Jan Westra, Cisca Wijmenga, Bruce H Wolffenbuttel, Jian Yang, C. R Bezzina, P. B Munroe, H. Snieder, Alan F Wright, Igor Rudan, L. A Boyer, F.W Asselbergs, Dirk J van Veldhuisen, B. H Stricker, Bruce M Psaty, M. Ciullo, S. Sanna, T. Lehtimäki, J. F Wilson, S. Bandinelli, A. Alonso, P. Gasparini, J Wouter Jukema, S. Kääb, V. Gudnason, S.B Felix, S.R Heckbert, R.A de Boer, C. Newton-Cheh, A.A Hicks, J.C Chambers, Y. Jamshidi, A. Visel, V. M Christoffels, A. Isaacs, N. J Samani, Paul I W de Bakker
J Am Coll Cardiol. 206 Sep 27;68(3):435-48. doi: 0.06/j.jacc.206.07.729.

Genetic variants modulating CRIPTO serum levels identified by genome-wide association study in Cilento isolates.

Nappo S*, Ruggiero D*, Nobile T, Sorice R, Talotta F, Giorgio E, Bellenguez C, Leutenegger AL, Liguori GL, Ciullo M.

PLoS Genetics 205 Jan 28;():e004976. doi.org/0.37/journal.pgen.004976

Tutte le informazioni e dichiarazioni sopra riportate nel curriculum sono rese sotto la propria responsabilità, ai sensi degli articoli 46 e 47 del decreto del Presidente della Repubblica 28 dicembre 2000, n.445, consapevole delle sanzioni penali per dichiarazioni mendaci, falsità in atti ed uso di atti falsi ai sensi dell'articolo 76 del citato decreto del Presidente della Repubblica n.445/2000.

Autorizzo il trattamento dei dati personali contenuti nel mio curriculum vitae in base al d. lgs. 196/2003 e al regolamento UE 2016/679 regolamento europeo sulla protezione dei dati personali".

Luogo e Data

Napoli, 20/05/2025

Firma

